

Regeln zur Nomenklatur in der Versuchstierkunde

Typ	Prinzip	Beispiel
Auszucht	Züchter:Linienbezeichnung	Crl:NMRI (Han)
Inzucht	Linienbezeichnung/Züchter	AKR/NCrl
Sublinie	Linie/Sublinie Züchter	C57BL/6J
Hybride F1 oder F2	Linie Mutter x Linie Vater F1(F2) /Züchter	(BALB/cJxC57BL/6J)F1 = CB6F1/J
Mutation (spontan, chemisch, physikalisch)	Stamm <i>betroffenes Gen Allelbezeichnung</i> / Züchter	129P3/J- <i>Lepr</i> ^{db-3 J} /J
„targeted mutation“ (knock-out)	Stamm Embryo bzw. Rückkreuzung; Stamm ES <i>betroffenes Gen</i> „tm“ <i>Lab code</i> /Züchter	B6;129P2- <i>Apoe</i> ^{tm1Unc} /J
„targeted mutation“ (knock-in)	Stamm Embryo bzw. Rückkreuzung; Stamm ES <i>betroffenes Gen</i> „tm“(<i>insetiertes Gen</i>) <i>Lab code</i> /Züchter	B6;129- <i>IgkC</i> ^{tm1(IGKC)Mnz} /J
Transgen	Stamm-Tg(<i>Promotor-exprimiertes Gen</i>) Foundernummer <i>Lab code</i> / Züchter	C57BL/6-Tg(<i>CAG-EGFP</i>)1OsB/J
Kongen	Linie“neu“; Ursprungslinie- <i>Genbezeichnung</i> /Züchter	B6;CB17- <i>Prkdc</i> ^{scid} /SzJ
Gemischte Inzuchtlinien	<ul style="list-style-type: none"> - Stämme (chronologisch oder alphabetisch)-genetische Veränderung/Züchter - STOCK genetische Veränderung Züchter 	<ul style="list-style-type: none"> - B6Brd;B6Dnk;B6N-Tyr^{C-} <i>Brd Jph3</i>^{tm1a(KOMP)Wtsi} /Mbp - STOCK Rb(16.17)5Bnr
Rekombinante Linie	Linie MutterXLinie Vater) /Züchter	BALB/cJXC57BL/6J = CXB6/J

Rekombinante kongene Linien (RC)	Stamm1 („Recipient strain“) cStamm2	BALB/CcSTS = CcS
Advanced Intercross Line (AIL)	Lab code:Stamm1, Stamm2-G#	C57BL/6 x DBA/2 in Princeton =Pri:B6,D2-G#
Consomic strain	HOST STRAIN-Chr # ^{DONOR STRAIN}	C57BL/6J-Chr 1 ^{A/J}

Dr. Sabine Soltek Ruprecht-Karls-Universität Heidelberg, Interfakultäre Biomedizinische Forschungseinrichtung, Im Neuenheimer Feld 347, D-69120 Heidelberg

www.jax.org

<http://www.informatics.jax.org/mgihome/nomen/strains.shtml>