

SANIERUNGAUFTRAG

BTL Intern	
PID:	Datum:

Forschungsgruppe:	Betreuer/in:	
Institution:		
Straße:	Ort:	
Tel:	E-Mail:	

Offizielle Nomenklatur	
“Lab name“ (max. 12 Buchstaben):	
Spezies	
Tierbase Nummer	
Genetischer Hintergrund (B. C57Bl6, Balb/c, 129 Sv usw.)	
Sicherheitsstufe (nach Gentechnik Gesetz):	

Genotyp:				
<input type="checkbox"/> O - KO (konventionell)	<input type="checkbox"/> O - KI (konventionell)	<input type="checkbox"/> O - Transgen	<input type="checkbox"/> O - Mutagenese	Andere:
<input type="checkbox"/> O - KO (konditional)	<input type="checkbox"/> O - KI (konditional)	<input type="checkbox"/> O - Mix: KO/Tg	<input type="checkbox"/> O - Mutante	

Sollen Saniert werden in: (bei HOM/WT und bei HET/WT werden nur die Männchen benötigt!)				
<input type="checkbox"/> O HOM/ HOM	<input type="checkbox"/> O HOM/WT	<input type="checkbox"/> O HOM/WT	<input type="checkbox"/> O HOM/WT	Wenn mit WT welcher Stamm: <input style="width: 90%;" type="text"/>

Folgende Tiere stehen zu Verfügung (bei HOM/WT und bei HET/WT werden nur 5 ♂ benötigt)					
- Alter ♂.: 10-20 Wochen, / Alter ♀.: 3-12 Wochen					
Anzahl bei Heterozygotie: 5 ♂. + 15-20 ♀. Anzahl bei Homozygotie: 5-10 ♂. und 5-10 ♀.					
Sollten nicht ausreichend Tiere vorhanden sein, würden wir mit den vorhanden beginnen.					
Männchen (♂)			Weibchen (♀)		
	Tier-Nr.	Geboren am	Tier-Nr.	Geboren am	Bemerkungen
1					
2					
3					
4					
5					
6					
7					
8					
9					
10					

Standort der Tiere:										
<input type="checkbox"/> U2	<input type="checkbox"/> U3	<input type="checkbox"/> U4	<input type="checkbox"/> U5	<input type="checkbox"/> U6	<input type="checkbox"/> U7	<input type="checkbox"/> U8	<input type="checkbox"/> KEB	<input type="checkbox"/> MH	<input type="checkbox"/> Red.	Sonstiger:

Verbleib der Restlichen Tiere nach Embryonengewinnung:	
<input type="checkbox"/> O - können getötet werden	werden benötigt für: